

|                    |   | Prélèvement     | Volume (mL)                                 | Acheminement  | Cotation*                    | CNR Tours | CNR Paris Site Bichat | CNR Rouen | CNR Paris Site St Louis |
|--------------------|---|-----------------|---|---|------------------------------|-----------|-----------------------|-----------|-------------------------|
| Tests sérologiques | Western Blot  | Sérum ou plasma | 0,5 mL                                      | 4-25°C  | B160                         | X         | X                     | X         | X                       |
|                    | Test d'infection récente <sup>a</sup>                     | Sérum ou plasma | 0,5 mL<br>ou<br>≥ 2 spots 20 µL sur buvards | 4-25°C  | Cf western blot <sup>a</sup> | X         |                       |           |                         |
|                    | Sérotypage<br>- SSEIA <sup>b</sup><br>- PLIA <sup>c</sup> | Sérum ou plasma | 0,5 mL<br>0,5 mL                            | 4-25°C  | BHN100                       | X         | X                     | X<br>X    |                         |
| Tests moléculaires | Charge virale VIH-2 ARN                                   | Plasma (EDTA)   | 1,5 mL                                      | Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>plasma congelé à -20°C                                    | BHN580                       |           | X                     |           |                         |
|                    | ADN   | Cellules        | sang total<br>≥ 500 ng d'ADN                | Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>Cellulothèque<br>(culots secs ≥ 10 <sup>6</sup> cellules) | BHN525                       |           | X                     |           |                         |
|                    | Charge virale VIH-1 groupe O ARN                          | Plasma (EDTA)   | 1,5 mL                                      | Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>plasma congelé à -20°C                                    | BHN580                       |           |                       | X         |                         |
|                    | ADN   | Cellules        | sang total<br>≥ 500 ng d'ADN                | Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>Cellulothèque<br>(culots secs ≥ 10 <sup>6</sup> cellules) | BHN525                       |           |                       | X         |                         |
|                    | Génotypage de résistance VIH-1 groupe M <sup>d</sup>      | Plasma          | 1,5 mL                                      | Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>plasma congelé à -20°C                                    | B550 par gène                |           | X                     |           | X                       |
|                    | Gènes :   | LCR             | ≥ 100 µL                                    | LCR congelé à -20°C   | Intégrase                    |           |                       |           |                         |

|  |   |                                   |  |   |  |  |   |   |   |
|--|---|-----------------------------------|--|---|--|--|---|---|---|
|  | <ul style="list-style-type: none"> <li>- Prot</li> <li>- RT</li> <li>- Intégrase</li> </ul> | Cellules                          | sang total<br>≥ 500 ng d'ADN                               | Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>Cellulothèque<br>(culots secs ≥ 10 <sup>6</sup> cellules)   | BHN1240                                  |  |   |   |   |
|  | Génotypage de résistance VIH-1 groupe O   | Plasma                            | 0,5-1 mL<br>(selon charge virale)                          | plasma congelé à -20°C  | B550 par gène<br><br>Intégrase BHN1240   |  |   | X |   |
|  | Génotypage de résistance VIH-2  | Plasma<br><br>LCR<br><br>Cellules | 1,5 mL<br><br>≥ 100 µL<br><br>sang total<br>≥ 500 ng d'ADN | Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>plasma congelé à -20°C<br><br>LCR congelé à -20°C<br><br>Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>Cellulothèque congelée -20°C<br>(culots secs ≥ 10 <sup>6</sup> cellules) | BHN550 par gène<br><br>Intégrase BHN1240 |  | X |   |   |
|  | Prédiction de tropisme VIH-1 groupe M   | Plasma<br><br>LCR<br><br>Cellules | 1,5 mL<br><br>≥ 100 µL<br><br>sang total<br>≥ 500 ng d'ADN | Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>plasma congelé à -20°C<br><br>LCR congelé à -20°C<br><br>Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>Cellulothèque congelée -20°C<br>(culots secs ≥ 10 <sup>6</sup> cellules) | B550                                     |  | X |   | X |
|  | Prédiction de tropisme VIH-1 groupe O   | En développement                  |  |   |  |  |   | X |   |
|  | Prédiction de tropisme VIH-2  | Plasma                            | 1,5 mL   | Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>plasma congelé à -20°C  | B550                                     |  | X |   |   |

|               |  |          |                              |  |  |  |  |  |  |
|---------------|--|----------|------------------------------|--|--|--|--|--|--|
|               |  | LCR      | ≥ 100 µL                     | LCR congelé à -20°C  |  |  |  |  |  |
|               |  | Cellules | sang total<br>≥ 500 ng d'ADN | Sang total 2-25°C (max 6h après le plvt)<br>Cellulothèque congelée -20°C<br>(culots secs ≥ 10 <sup>6</sup> cellules) |  |  |  |  |  |
| Autre demande |  |          |                              |  |  |  |  |  |  |

\* Les actes sont facturés dès lors qu'ils ne sont pas effectués dans le cadre d'études de surveillance, mais suite à la demande des biologistes et/ou cliniciens.

<sup>a</sup> Test uniquement d'orientation pour dater une infection de moins de 6 mois chez des patients non traités (ref. Barin *et al.*, J clin Microbiol 2005 ; sensibilité et spécificité : 85-95% selon le contexte). Effectué en parallèle avec un western blot.

<sup>b</sup> Distinction sérologique VIH-1 vs VIH-2, VIH-1 groupe M vs VIH-1 groupe O, VIH-1 sous-type B vs sous-type non-B (ref. Barin *et al.*, AIDS Res Hum Retroviruses 1996 ; Barin *et al.*, J med Virol 2006).

<sup>c</sup> Distinction sérologique lentivirus des primates (Simon *et al.*, AIDS Res Hum Retroviruses 2001).

<sup>d</sup> Sous-type viral déterminé par analyse phylogénétique dans le cadre du génotypage de résistance.